

医薬審発 1208 第 1 号  
令和 5 年 12 月 8 日

各都道府県衛生主管部（局）長 殿

厚生労働省医薬局医薬品審査管理課長  
（ 公 印 省 略 ）

### 医薬品の一般的名称について

標記については、「医薬品の一般的名称の取扱いについて（平成 18 年 3 月 31 日薬食発第 0331001 号厚生労働省医薬食品局長通知）」等により取り扱っているところです。今般、我が国における医薬品の一般的名称（以下「JAN」という。）について、新たに別添のとおり定めたので、御了知の上、貴管下関係業者に周知方よろしく御配慮願います。

（参照）

「日本医薬品一般的名称データベース」<https://jpdb.nihs.go.jp/jan/>

（別添の情報のうち、JAN 以外の最新の情報は、当該データベースの情報で対応することとしています。）

(別表1) INNとの整合性が図られる可能性のあるもの

(平成18年3月31日薬食審査発第0331001号厚生労働省医薬食品局審査管理課長通知に示す別表1)

登録番号 305-4-A1

JAN (日本名) : テグレンメラン

JAN (英名) : Tegenmeran

#### 核酸配列

GAGGAGACCC	AAGCUACAUU	UGCUUCUGAC	ACAACUGUGU	UCACUAGCAA	50
CCUCAACAG	ACACCGCCAC	CAUGUUCGUG	UUCCUGGUGC	UGCUGCCCUU	100
GGUGAGCAGC	AGAGUGCAGC	CCACCGAGAG	CAUCGUGCGG	UUCCCCAACA	150
UCACCAACCU	GUGCCCUUUC	GACGAGGUGU	UCAACGCCAC	CAGAUUCGCC	200
AGCGUGUACG	CCUGGAACCG	GAAGCGGAUC	AGCAACUGCG	UGGCCGACUA	250
CAGCGUGCUG	UACAACUUCG	CCCCCUUCUU	CGCCUUCAAG	UGCUACGGCG	300
UGAGCCCCAC	CAAGCUGAAC	GACCUGUGCU	UCACCAACGU	GUACGCCGAC	350
AGCUUCGUGA	UCAGAGGCAA	CGAAGUGAGC	CAGAUUCGCC	CCGGACAGAC	400
AGGCAACAUC	GCCGACUACA	ACUACAAGCU	GCCCAGCAGC	UUCACCGGCU	450
GCGUGAUCGC	CUGGAACAGC	AACAAGCUGG	ACAGCAAAGU	CGGCGGCAAC	500
UACAACUACC	GGUACCGGCU	GUUCCGGAAG	UCCAACCUGA	AGCCCUUCGA	550
GCGGGACAUC	AGCACCGAGA	UCUACCAGGC	CGGCAACAAG	CCCUGCAACG	600
GCGUGGCCGG	CGUCAACUGC	UACUUCCAC	UGCAGAGCUA	CGGCUUCCGG	650
CCCACAUACG	GCGUGGGCCA	CCAGCCCUAC	AGAGUGGUGG	UGCUGAGCUU	700
CGAGCUGCUG	CACGCCCCCG	CCACAGUGUG	CGGCCCCAAG	AAAAGCACCA	750
ACCUUGUCA	GAACAAAAGC	GUGAACUUCU	GAGCUCGCUU	UCUUGCUGUC	800
CAAUUUCUAU	UAAAGGUUCC	UUUGUCCCU	AAGUCCAACU	ACUAAACUGG	850
GGGAUAUUAU	GAAGGGCCUU	GAGCAUCUGG	AUUCUGCCUA	AUAAAAACA	900
UUUAUUUUCA	UUGCAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	950
AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	1000
AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA				1019

A : アデノシン, C : 5-メチルシチジン, G : グアノシン, U : 5-メチルウリジン

1-3 : 5'キャップ構造部分

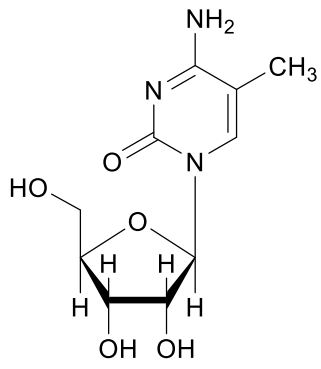
4-71 : 5'非翻訳領域 (16-65 : ヒトβグロビン遺伝子5'非翻訳領域由来の配列)

72-782 : 翻訳領域 (72-74 : 開始コドン ; 75-110 : SARS-CoV-2 のスパイクタンパク質のシグナルペプチド ;

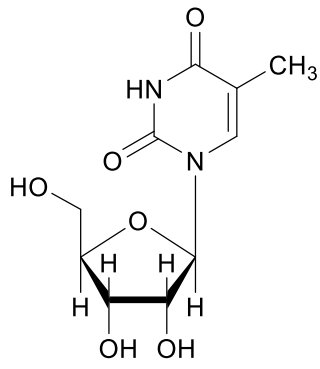
780-782 : 終止コドン)

783-914 : 3'非翻訳領域 (ヒトβグロビン遺伝子3'非翻訳領域由来の配列)

915-1019 : ポリ A 配列

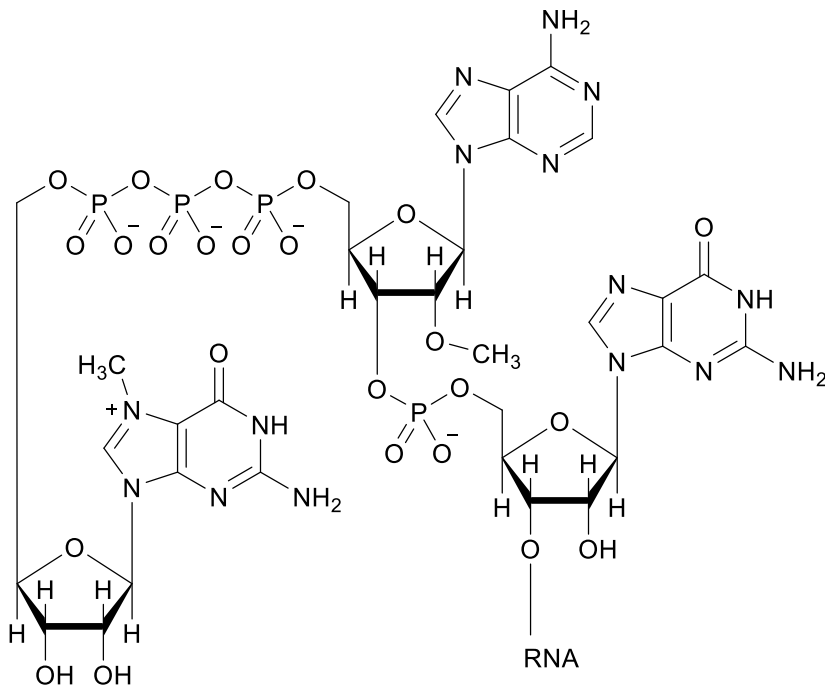


5-メチルシチジン



5-メチルウリジン

5'キャップ構造部分



テグレンメランは、SARS-CoV-2 の B.1.1.529.4 及び B.1.1.529.5 系統の変異株（オミクロン株）に共通するスパイクタンパク質の受容体結合ドメイン類縁体（C533S）をコードする mRNA である。テグレンメランは、5'キャップ構造及びポリ A 配列を含み、全てのシチジン残基及びウリジン残基が、それぞれ 5-メチルシチジン残基及び 5-メチルウリジン残基に置換された、1019 個のヌクレオチド残基からなる 1 本鎖 RNA である。

Tegrenmeran is a mRNA encoding receptor-binding domain analog (C533S) of spike protein of SARS-CoV-2 (Omicron variant, B.1.1.529.4 and B.1.1.529.5). Tegrenmeran is a single-stranded RNA consisting of 1019 nucleotide residues including the 5' cap structure and poly A sequence in which all cytidine and uridine residues are replaced by 5-methylcytidine and 5-methyluridine residues, respectively.

登録番号 305-4-A2

JAN (日本名) : ベムレメラン

JAN (英名) : Bemremeran

核酸配列

GAGGAGACCC	AAGCUACAUU	UGCUUCUGAC	ACAACUGUGU	UCACUAGCAA	50
CCUCAACAG	ACACCGCCAC	CAUGUUCGUG	UUCCUGGUGC	UGCUGCCCU	100
GGUGAGCAGC	AGAGUGCAGC	CCACCGAGAG	CAUCGUGCGG	UUCCCCAACA	150
UCACCAACCU	GUGCCCUUC	CACGAGGUGU	UCAACGCCAC	CACAUUCGCC	200
AGCGUGUACG	CCUGGAACCG	GAAGCGGAUC	AGCAACUGCG	UGGCCGACUA	250
CAGCGUGAUC	UACAACUUCG	CCCCCUUCUU	CGCCUUCAAG	UGCUACGGCG	300
UGAGCCCCAC	CAAGCUGAAC	GACCUGUGCU	UCACCAACGU	GUACGCCGAC	350
AGCUUCGUGA	UCAGAGGCAA	CGAAGUGAGC	CAGAUCCGCC	CCGGACAGAC	400
AGGCAACAUC	GCCGACUACA	ACUACAAGCU	GCCCAGCAGC	UUCACCGGCU	450
GCGUGAUCGC	CUGGAACAGC	AACAAGCUGG	ACAGCAAACC	CAGCGGCAAC	500
UACAACUACC	UGUACCGGCU	GUUCCGGAAG	UCCAAGCUGA	AGCCCUUCGA	550
GCGGGACAUC	AGCACCGAGA	UCUACCAGGC	CGGCAACAAG	CCCUGCAACG	600
GCGUGGCCGG	CCCCAACUGC	UACAGCCCAC	UGCAGAGCUA	CGGCUUCCGG	650
CCCACAUACG	GCGUGGGCCA	CCAGCCCUAC	AGAGUGGUGG	UGCUGAGCUU	700
CGAGCUGCUG	CAGCCCCCG	CCACAGUGUG	CGGCCCCAAG	AAAAGCACCA	750
ACCUGGUCA	GAACAAAAGC	GUGAACUUCU	GAGCUCGCUU	UCUUGCUGUC	800
CAUUUUCUAU	UAAAGGUUCC	UUUGUUCUU	AAGUCCAACU	ACUAAACUGG	850
GGGAUAUUUAU	GAAGGGCCUU	GAGCAUCUGG	AUUCUGCCUA	AUAAAAAACA	900
UUUAUUUUCA	UUGCAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	950
AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	1000
AAAAAAAAAA	AAAAAAAAAA	AAAA			1024

A : アデノシン, C : 5-メチルシチジン, G : グアノシン, U : 5-メチルウリジン

1-3 : 5'キャップ構造部分

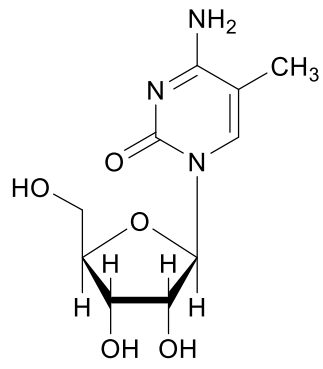
4-71 : 5'非翻訳領域 (16-65 : ヒトβグロビン遺伝子5'非翻訳領域由来の配列)

72-782 : 翻訳領域 (72-74 : 開始コドン ; 75-110 : SARS-CoV-2 のスパイクタンパク質のシグナルペプチド ;

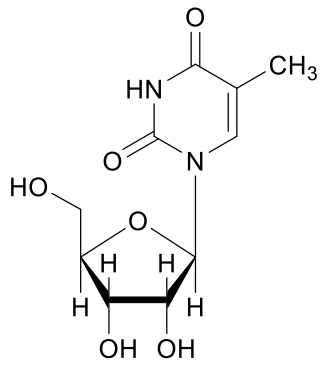
780-782 : 終止コドン)

783-914 : 3'非翻訳領域 (ヒトβグロビン遺伝子3'非翻訳領域由来の配列)

915-1024 : ポリ A 配列

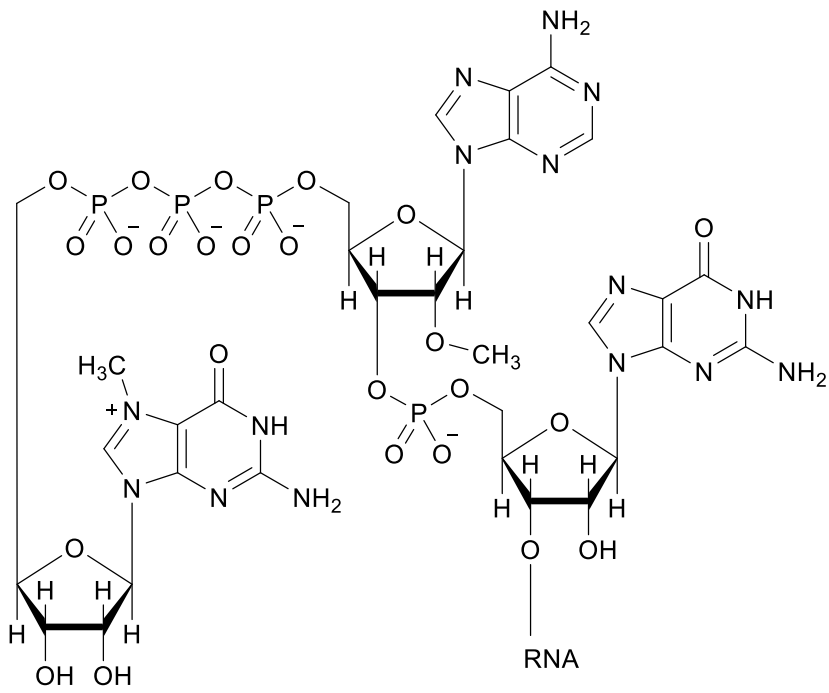


5-メチルシチジン



5-メチルウリジン

5'キャップ構造部分



ベムレメランは、SARS-CoV-2 の XBB.1.5 系統の変異株（オミクロン株）のスパイクタンパク質の受容体結合ドメイン類似体（C534S）をコードする mRNA である。ベムレメランは、5'キャップ構造及びポリ A 配列を含み、全てのシチジン残基及びウリジン残基が、それぞれ 5-メチルシチジン残基及び 5-メチルウリジン残基に置換された、1024 個のヌクレオチド残基からなる 1 本鎖 RNA である。

Bemremeran is a mRNA encoding receptor-binding domain analog (C534S) of spike protein of SARS-CoV-2 (Omicron variant, XBB.1.5). Bemremeran is a single-stranded RNA consisting of 1024 nucleotide residues including the 5' cap structure and poly A sequence in which all cytidine and uridine residues are replaced by 5-methylcytidine and 5-methyluridine residues, respectively.

※ JAN 以外の情報は、参考として掲載しました。